

Νοέμβριος | 2021

Φώτης Ψωμόπουλος



INSTITUTE OF APPLIED BIOSCIENCES
ΙΝΣΤΙΤΟΥΤΟ ΕΦΑΡΜΟΣΜΕΝΩΝ ΒΙΟΕΠΙΣΤΗΜΩΝ

6th km. Charilaou – Thermi Rd. · P.O. Box 60361 · 570 01 Thermi, Thessaloniki · T: +30 2310 498272 · F: +30 2310 498270
inab@certh.gr · www.inab.certh.gr

Βιογραφικό Σημείωμα

ΟΝΟΜΑ Φώτης Ψωμόπουλος	ΤΡΕΧΟΥΣΑ ΘΕΣΗ Ερευνητής Γ', Ινστιτούτο Εφαρμοσμένων Βιοεπιστημών [INEB], Εθνικό Κέντρο Έρευνας και Τεχνολογικής Ανάπτυξης [ΕΚΕΤΑ], Θεσσαλονίκη		
	ΣΠΟΥΔΕΣ/ΕΚΠΑΙΔΕΥΣΗ		
ΕΚΠΑΙΔΕΥΤΙΚΟ ΙΔΡΥΜΑ	ΒΑΘΜΟΣ	ΧΡΟΝΙΚΗ ΠΕΡΙΟΔΟΣ	ΠΕΔΙΟ ΣΠΟΥΔΩΝ
Τμ. Ηλεκτρολόγων Μηχανικών και Μηχανικών Υπολογιστών, Αριστοτέλειο Πανεπιστήμιο Θεσσαλονίκης	Diploma Eng.	1999-2004	Ηλεκτρολόγος Μηχανικός και Μηχανικός Υπολογιστών
Τμ. Ηλεκτρολόγων Μηχανικών και Μηχανικών Υπολογιστών, Αριστοτέλειο Πανεπιστήμιο Θεσσαλονίκης	PhD	2004-2010	Ηλεκτρολόγος Μηχανικός και Μηχανικός Υπολογιστών

ΕΠΑΓΓΕΛΜΑΤΙΚΗ ΕΜΠΕΙΡΙΑ

2018-2019	Συνεργαζόμενος ερευνητής στο Department of Molecular Medicine and Surgery του Karolinska Institutet στη Στοκχόλμη
2017-	Μεταδιδακτορικός Ερευνητής, Ινστιτούτο Εφαρμοσμένων Βιοεπιστημών (INEB), Εθνικό Κέντρο Έρευνας και Τεχνολογικής Ανάπτυξης (ΕΚΕΤΑ), Θεσσαλονίκη.
2017	Επισκέπτης Καθηγητής, Quest University, Vancouver, Καναδάς.
2014-2017	Ακαδημαϊκός Υπότροφος, Τμήμα Ηλεκτρολόγων Μηχανικών και Μηχανικών Υπολογιστών (ΤΗΜΜΥ), Αριστοτέλειο Πανεπιστήμιο Θεσσαλονίκης, Θεσσαλονίκη.
2014-2017	Μεταδιδακτορικός Ερευνητής, Ινστιτούτο Τεχνολογιών Πληροφορικής και Επικοινωνιών, Εθνικό Κέντρο Έρευνας και Τεχνολογικής Ανάπτυξης (ΕΚΕΤΑ), Θεσσαλονίκη.
2016	Επισκέπτης Καθηγητής, Quest University, Vancouver, Καναδάς.
2011-2014	Μεταδιδακτορικός Ερευνητής, Ινστιτούτο Εφαρμοσμένων Βιοεπιστημών (INEB), Εθνικό Κέντρο Έρευνας και Τεχνολογικής Ανάπτυξης (ΕΚΕΤΑ), Θεσσαλονίκη.
2011-2012	Λέκτορας Π.Δ. 407/80, Τμήμα Μηχανικών Πληροφορικής και Τηλεπικοινωνιών του Πανεπιστημίου Δυτικής Μακεδονίας, Κοζάνη.

ΘΕΣΕΙΣ ΕΥΘΥΝΗΣ

2021	Μέλος της ομάδας εργασίας EOSC Research Careers, Recognition, and Credit
2021	Επιστημονικά Εκπρόσωπος του ΕΚΕΤΑ για τον Εθνικό Κόμβο ELIXIR-GR
2020 - σήμερα	Μέλος του ELIXIR Training Platform Executive Committee
2020 – σήμερα	Συντονιστής του RDA FAIR for Research Software group
2020	Εθνικός εκπρόσωπος της Ομάδα Εργασίας EOSC Skills and Training
2020	Συντονιστής της υπο-ομάδας RDA COVID-19 Research Software subgroup
2019 – σήμερα	Συντονιστής του ELIXIR FAIR Training Focus Group
2019 – σήμερα	Συντονιστής του ELIXIR Machine Learning Focus Group
2018 – σήμερα	Συντονιστής Εκπαίδευσης (Training Coordinator) του Εθνικού Κόμβου ELIXIR-GR
2017 – σήμερα	Συντονιστής του RDA Interest Group “Early Career and Engagement”
2017 – σήμερα	Συντονιστής του RDA Interest Group “Data Discovery Paradigms”
2016 – 2017	Σημείο επαφής του Εργαστηρίου Επεξεργασίας Πληροφορίας και Υπολογισμών (THMMY/ΑΠΘ) για το European Biotechnology Network (
2014 – 2015	Συντονιστή του EGI Virtual Team για “Integrating life science reference datasets within EGI”

ΣΥΜΜΕΤΟΧΗ ΣΕ ΕΠΙΣΤΗΜΟΝΙΚΕΣ ΕΤΑΙΡΕΙΕΣ

2020 – σήμερα	Μέλος, Confederation of Laboratories for Artificial Intelligence Research in Europe (CLAIRE)
2020 – σήμερα	Μέλος, Life Science Trainers
2019 – σήμερα	Μέλος, Global Organisation for Bioinformatics Learning, Education & Training (GOBLET)
2014 – σήμερα	Μέλος, International Society for Computational Biology (ISCB)
2004 – σήμερα	Μέλος, Τεχνικό Επιμελητήριο Ελλάδος (ΤΕΕ)
2003 – σήμερα	Senior Μέλος, IEEE και IEEE Computer Society

ΟΡΓΑΝΩΣΗ ΕΠΙΣΤΗΜΟΝΙΚΩΝ ΕΚΔΗΛΩΣΕΩΝ

2021	HSCBB 2021 - - Μέλος Επιστημονικής Επιτροπής
2020	Hbioinfo 2020 program committee member
2018	CarpentryCon 2018 – Μέλος Οργανωτικής Επιτροπής
2015 – σήμερα	Συνδιοργανωτής εκπαιδευτικών σεμιναρίων στα πλαίσια των Carpentries και του ELIXIR, τόσο σε εθνικό όσο και ευρωπαϊκό επίπεδο.

ΑΝΑΣΚΟΠΗΣΗ ΚΑΙ ΑΞΙΟΛΟΓΗΣΗ ΤΗΣ ΕΡΓΑΣΙΑΣ ΑΛΛΩΝ

I. Κριτής σε επιστημονικά περιοδικά (Ad hoc reviewer)

PLoS ONE, PLoS Computational Biology, BMC Bioinformatics, Nature Scientific Reports, PeerJ, Journal of Biomedical Informatics, Computer Methods and Programs in Biomedicine, SoftwareX, International Journal on Artificial Intelligence Tools, Journal of Systems and Software, Journal of Parallel and Distributed Computing

II. Κριτής εργασιών που υποβλήθηκαν σε επιστημονικά συνέδρια (Ad hoc reviewer)

Open Science Conference 2019-2021, ISCB-Africa ASBCB 2019, CODATA Beijing 2019, IEEE BIBE 2019 ECCB2020

III. Αξιολογητής/κριτής ερευνητικών προτάσεων για χρηματοδότηση

Γενική Γραμματεία Έρευνας και Τεχνολογίας Ελλάδας, EOSC-Future

IV. Εξεταστής υποψηφίων διδακτόρων

2020, Grioni Andrea, Masaryk University, Faculty of Science, Διδακτορική Διατριβή

V. Κριτής υποψηφίων για ακαδημαϊκές / ερευνητικές θέσεις

- Διορισμός της κας Ευαγγελίας Μίγγα ως Ειδικού Λειτουργικού Επιστήμονα Γ', ΕΚΕΤΑ, 2021

ΔΙΔΑΚΤΙΚΟ ΚΑΙ ΕΚΠΑΙΔΕΥΤΙΚΟ ΕΡΓΟ

I. Εκπαιδευτής/διδάσκων σε μεταπτυχιακά προγράμματα σπουδών στα ακόλουθα ακαδημαϊκά ιδρύματα

Αριστοτέλειο Πανεπιστήμιο Θεσσαλονίκης

II. Ακαδημαϊκός σύμβουλος

2010 - σήμερα Συνεπιβλέπων στην εκπόνηση 22 διπλωματικών εργασιών που εκπονήθηκαν στο Τμ. Ηλεκτρολόγων Μηχανικών και Μηχανικών Υπολογιστών, Πολυτεχνικής Σχολής ΑΠΘ, στα πλαίσια των προπτυχιακών σπουδών

2017 - σήμερα Συνεπιβλέπων στην εκπόνηση 4 διπλωματικών εργασιών σε 1^ο κύκλο μεταπτυχιακών σπουδών (MSc thesis) που εκπονήθηκαν σε ακαδημαϊκούς φορείς στην Ελλάδα

MSc φοιτητές: Αικατερίνη Σαδίκη | Αστέριος Μπατζιάκας | Βαγιωνά Αιμιλία-Χριστίνα | Ασπασία Ορφανού

Σήμερα Επιβλέπων σε 1 junior μεταδιδακτορικό ερευνητή και 3 υποψήφιους διαδάκτορες (Νικόλαος Πεχλιβάνης | Βασίλειος Βασιλείου | Γεώργιος Καρτάνος)

ΔΗΜΟΣΙΕΥΣΕΙΣ

I. Σύνοψη

- [ORCID: 0000-0002-0222-4273](#)

- 33 δημοσιεύσεις καταχωρημένες στη βάση [Pubmed](#) (07 Νοεμβρίου 2021), 58 δημοσιεύσεις καταχωρημένες στη βάση [Scopus](#) (07 Νοεμβρίου 2021), 24 δημοσιεύσεις καταχωρημένες στη βάση [DBLP](#) (07 Νοεμβρίου 2021), 106 δημοσιεύσεις καταχωρημένες στη βάση [Microsoft Academic](#) (07 Νοεμβρίου 2021)
- h-factor: 14 | σύνολο ετεροαναφορών : 433 (Google Scholar, 07 Νοεμβρίου 2021)
- 1 κεφάλαιο σε βιβλία

II. Ενδεικτικές δημοσιεύσεις 2019 - 2021

- A. C. Dimopoulos, K. Koukoutegos, F. E. Psomopoulos, and P. Moulos, "Combining Multiple RNA-Seq Data Analysis Algorithms Using Machine Learning Improves Differential Isoform Expression Analysis," **Methods and Protocols**, vol. 4, no. 4, 2021, doi: 10.3390/mps4040068.
- M. Tsagiopoulou et al., "miRkit: R Framework Analyzing miRNA PCR Array Data," **BMC Research Notes**, vol. 14, no. 376, Sep. 2021, doi: 10.1186/s13104-021-05788-1.
- I. Walsh et al., "DOME: recommendations for supervised machine learning validation in biology," **Nature Methods**, Jul. 2021, doi: 10.1038/s41592-021-01205-4.
- S. Ntoufa et al., "RPS15 mutations rewire RNA translation in chronic lymphocytic leukemia," **Blood Advances**, vol. 5, no. 13, pp. 2788–2792, Jul. 2021, doi: 10.1182/bloodadvances.2020001717.
- N. Pechlivanis, A. Togkousidis, M. Tsagiopoulou, S. Sgardelis, I. Kappas, and F. Psomopoulos, "A Computational Framework for Pattern Detection on Unaligned Sequences: An Application on SARS-CoV-2 Data," **Frontiers in Genetics**, vol. 12, May 2021, doi: 10.3389/fgene.2021.618170.
- M. Tsagiopoulou et al., "UMic: A Preprocessing Method for UMI Deduplication and Reads Correction," **Frontiers in Genetics**, vol. 12, May 2021, doi: 10.3389/fgene.2021.660366.
- K. Gemenetzi et al., "Higher-order immunoglobulin repertoire restrictions in CLL: the illustrative case of stereotyped subsets 2 and 169," **Blood**, vol. 137, no. 14, pp. 1895–1904, Apr. 2021, doi: 10.1182/blood.2020005216.
- M. Gerousi et al., "The Calcitriol/Vitamin D Receptor System Regulates Key Immune Signaling Pathways in Chronic Lymphocytic Leukemia," **Cancers**, vol. 13, no. 2, 2021, doi: 10.3390/cancers13020285.
- A. Vardi et al., "T-Cell Dynamics in Chronic Lymphocytic Leukemia under Different Treatment Modalities," **Clinical Cancer Research**, vol. 26, no. 18, pp. 4958–4969, 2020, doi: 10.1158/1078-0432.CCR-19-3827.
- C. C. Austin et al., "Fostering global data sharing: highlighting the recommendations of the Research Data Alliance COVID-19 working group," **Wellcome Open Research**, vol. 5, no. 267, 2020, doi: 10.12688/wellcomeopenres.16378.1.
- M. T. Kotouza et al., "TRIP - T cell receptor/immunoglobulin profiler," **BMC Bioinformatics**, vol. 21, no. 422, Sep. 2020, doi: 10.1186/s12859-020-03669-1.
- A.-C. Vagiona, M. A. Andrade-Navarro, F. Psomopoulos, and S. Petrakis, "Dynamics of a Protein Interaction Network Associated to the Aggregation of polyQ-Expanded Ataxin-1," **Genes**, vol. 11, no. 10, p. 1129, Sep. 2020, doi: 10.3390/genes11101129.
- F. E. Psomopoulos, J. van Helden, C. Médigue, A. Chasapi, and C. A. Ouzounis, "Ancestral state reconstruction of metabolic pathways across pangenome ensembles," **Microbial Genomics**, 2020, doi: 10.1099/mgen.0.000429.

- K. T. Gurwitz et al., "A framework to assess the quality and impact of bioinformatics training across ELIXIR," **PLOS Computational Biology**, vol. 16, no. 7, pp. 1–12, Jul. 2020, doi: 10.1371/journal.pcbi.1007976.
- L. Garcia et al., "Ten simple rules for making training materials FAIR," **PLOS Computational Biology**, vol. 16, no. 5, pp. 1–9, May 2020, doi: 10.1371/journal.pcbi.1007854.
- M. T. Kotouza, F. E. Psomopoulos, and P. A. Mitkas, "A dockerized framework for hierarchical frequency-based document clustering on cloud computing infrastructures," **Journal of Cloud Computing**, vol. 9, no. 2, pp. 1–17, 2020, doi: 10.1186/s13677-019-0150-y.
- A.-L. Lamprecht et al., "Towards FAIR principles for research software," **Data Science**, vol. 2, no. 2, pp. 1–23, 2019, doi: 10.3233/DS-190026.
- F. F. Parlapani et al., "Bacterial communities and potential spoilage markers of whole blue crab (*Callinectes sapidus*) stored under commercial simulated conditions," **Food Microbiology**, vol. 82, pp. 325–333, 2019, doi: 10.1016/j.fm.2019.03.011.
- A. M. Kintsakis, F. E. Psomopoulos, and P. A. Mitkas, "Reinforcement Learning based scheduling in a workflow management system," **Engineering Applications of Artificial Intelligence**, vol. 81, pp. 94–106, 2019, doi: 10.1016/j.engappai.2019.02.013.
- A. Agathangelidis, F. Psomopoulos, and K. Stamatopoulos, "Stereotyped B Cell Receptor Immunoglobulins in B Cell Lymphomas," **Methods in Molecular Biology: "Lymphoma: Methods and Protocols"**, pp. 139–155, 2019, doi: 10.1007/978-1-4939-9151-8_7.
- M. Wu, F. Psomopoulos, S. J. Khalsa, and A. de Waard, "Data Discovery Paradigms: User Requirements and Recommendations for Data Repositories," **Data Science Journal**, vol. 18, no. 1, p. 13, 2019, doi: 10.5334/dsj-2019-003.

ΤΡΕΧΟΝΤΑ ΕΠΙΣΤΗΜΟΝΙΚΑ ΕΝΔΙΑΦΕΡΟΝΤΑ

1. Βιοπληροφορική
2. Μηχανική Μάθηση και ερμηνεύσιμα μοντέλα
3. Alignment-free μέθοδοι
4. Εκπαίδευση